



ANALYSES

Pathologie moléculaire



VIOLLIER

Cancer Panels

Oncomine™ Comprehensive Assay v3 DNA, Thermo Fisher – 145 gènes

Mutations hotspot

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, AXL, BRAF, BTK, CBL, CCND1, CDK4, CDK6, CHEK2, CSF1R, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 (=HER2), ERBB3, ERBB4, ERCC2, ESR1, EZH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, FOXL2, GATA2, GNA11, GNAQ, GNAS, H3F3A, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KNSTRN, KRAS, MAGOH, MAP2K1 (=MEK1), MAP2K2 (=MEK2), MAP2K4, MAPK1, MAX, MDM2, MDM4, MED12, MET, MTOR, MYC, MYCL, MYCN, MYD88, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFR, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPP2R1A, PTPN11, RAC1, RAF1, RET, RHEB, RHOA, ROS1, SF3B1, SMAD4, SMO, SPOP, SRC, STAT3, TERT, TOP1, U2AF1, XPO1

Séquençage complet des gènes

ARID1A, ATM, ATR, ATRX, BAP1, BRCA1, BRCA2, CDK12, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CREBBP, FANCA, FANCD2, FANCI, FBXW7, MLH1, MRE11, MSH2, MSH6, NBN, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, PALB2, PIK3R1, PMS2, POLE, PTCH1, PTEN, RAD50, RAD51, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RB1, RNF43, SETD2, SLX4, SMARCA4, SMARCB1, STK11, TP53, TSC1, TSC2

Variations du nombre de copies (CNV)

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, AXL, BRAF, CCND1, CCND2, CCND3, CCNE1, CDK2, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ESR1, FGF19, FGF3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, IGF1R, KIT, KRAS, MDM2, MDM4, MET, MYC, MYCL, MYCN, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFR, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPARG, RICTOR, TERT

Oncomine™ Comprehensive Assay RNA, Thermo Fisher – 51 partenaires de fusion

Fusions de gènes

AKT2, ALK, AR, AXL, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, EGFR, ERBB2, ERBB4, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGR, FLT3, JAK2, KRAS, MDM4, MET, MYB, MYBL1, NF1, NOTCH1, NOTCH4, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PDGFR, PDGFRB, PIK3CA, PPARG, PRKACA, PRKACB, PTEN, RAD51B, RAF1, RB1, RELA, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3, TERT

Oncomine™ Precision Assay DNA, Thermo Fisher – 46 gènes

Mutations hotspot

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, BRAF, CDK4, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EGFR, ERBB2 (=HER2), ERBB3, ERBB4, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1 (=MEK1), MAP2K2 (= MEK2), MET, MTOR, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFR, PIK3CA, PTEN, RAF1, RET, ROS1, SMO, TP53

Variations du nombre de copies (CNV)

ALK, AR, CD274, CDKN2A, EGFR, ERBB2, ERBB3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, PIK3CA, PTEN

Oncomine™ Focus Assay RNA, Thermo Fisher – 23 partenaires de fusion

Fusions de gènes

ABL1, ALK, AKT3, AXL, BRAF, EGFR, ERBB2, ERG, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1

NGS Carcinome colorectal

Mutations hotspot

KRAS, NRAS, BRAF, PIK3CA

NGS Carcinome pulmonaire

Mutations hotspot

EGFR, KRAS, BRAF, HER2, MET

Fusions de gènes

ALK1, ROS1, RET, NTRK1, NTRK2, NTRK3, MET Exon-14-Skipping

NGS Mélanome

Mutations hotspot

BRAF, KIT, NRAS, HRAS

NGS Tumeur stromale gastro-intestinale (GIST)

Mutations hotspot

KIT, PDGFRA

NGS Carcinome thyroïdien

Mutations hotspot

AKT1, BRAF, CTNNB1, HRAS, KRAS, NRAS, PIK3CA, PTEN, RET, TERT, TP53

Fusions de gènes

RET, PPARG, NTRK1, NTRK2, NTRK3

NGS Carcinome de l'endomètre

Séquençage complet des gènes

POLE, TP53, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2

NGS Carcinome urothélial

Mutations hotspot et fusions

FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4

Séquençage complet des gènes

TP53

NGS Carcinome ovarien

TruSight Oncology 500 HRD powered by Myriad, Illumina

Mutations au niveau des gènes associés au profil BRCAnezz, y compris BRCA1, BRCA2, PALB2

Evaluation du Genomic Instability Score (GIS)

NGS Carcinome mammaire grand panel

TruSight Oncology 500, Illumina

Mutations au niveau des gènes associés au profil BRCAnezz, y compris BRCA1, BRCA2, PALB2

PIK3CA, AKT1, PTEN, ESR1 incl.

NGS Carcinome mammaire petit panel

Oncomine™ Comprehensive Assay v3 DNA, Thermo Fisher

PIK3CA, AKT1, PTEN, ESR1

Liquid Biopsy Carcinome mammaire

Oncomine™ Precision Assay GX, Thermo Fisher

ESR1, PIK3CA, AKT1

NGS Carcinome de la prostate

TruSight Oncology 500, Illumina

Mutations au niveau des gènes associés au profil BRCAnezz, y compris BRCA1, BRCA2, ATM

Analyse de l'instabilité des microsatellites et CDK12 incl.

Analyses supplémentaires :

BRCA1, BRCA2 Séquençage complet des gènes

Genomic Instability Score (GIS) TruSight Oncology 500 HRD powered by Myriad

Instabilité des microsatellites (MSI) Analyse de la longueur des fragments

Méthylation du promoteur MLH1 Analyse de la longueur des fragments

Charge mutationnelle tumorale (TMB) TruSight Oncology 500, Illumina

Toutes les analyses mentionnées sont accréditées chez Viollier selon les normes

SN EN ISO 15189.

Information

Dr rer. nat. Henriette Kurth, Spécialiste FAMH en médecine de laboratoire, resp. Biologie moléculaire

Dr méd. Katharina Marston, FMH Pathologie, pathologie moléculaire, resp. méd. Pathologie moléculaire

Dr méd. Sophie Diebold Berger, FMH Pathologie, Cytopathologie, resp. Viollier Genève SA Pathologie

PD Dr méd. Andreas Zettl, FMH Pathologie, Candidat pathologie moléculaire, resp. Pathologie

viollier.ch